

Ringversuch: **MG12/24**
im Monat: **September 2024**
Teilnehmer-Nr.: **0002942**
ausgestellt am: **21.09.24**



Referenzinstitut für Bioanalytik

Universität Ulm - Klinikum
Zentrale Einrichtung Klinische Chemie
Prof. Dr. S. Danckwardt
Albert-Einstein-Allee 23
89081 Ulm



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. A. Kessler

Bonn, 8. November 2024

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen, dass Sie am Ringversuch für Molekularbiologie, Gruppe 1, teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Untersuchungen erfüllt:

FV-Leiden (F5, NM_000130... | FII g20210a (F2, NM_0005... | ApoE, Apolipoprotein E -... | HFE H63D (HFE, NM_000410...
HFE S65C (HFE, NM_000410... | HFE C282Y (HFE, NM_00041...

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiLiBÄK gültig bis einschließlich September 2025.

Wass. p. Kohse

A. Kessler

S. Danckwardt

R. Kessler

http://www.rfb.bio/cgi/certificate?nr=0002942&rv_id=MG12_242&version=0&uid=ABB0686A33A4BF4B9976165C46ACDAE



<input type="checkbox"/> n	Resultatbox/Anzahl der Ergebnisse	<input type="checkbox"/>	richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr falsches Ergebnis
----------------------------	-----------------------------------	--------------------------	--------------------	--------------------------	------------------------	--------------------------	-----------------------

1 FV-Leiden (F5, NM_000130.5:c.1601G>A, rs6025)

Probe/Sample: G/G G/A A/A

Allele:

G: c.1601G	01	4	285	1
A: c.1601A	02	290	3	

2 FII g20210a (F2, NM_000506.5:c.*97G>A, rs1799963)

Probe/Sample: G/G G/A A/A

Allele:

G: c.*97G	01	4	282	
A: c.*97A	02	287	2	

3 MTHFR C677T (MTHFR, NM_005957.5:c.665C>T, rs1801133)

Probe/Sample: C/C C/T T/T

Allele:

C: c.665C	01	179	1	2
T: c.665T	02	2		180

4 MTHFR A1298C (MTHFR, NM_005957.5:c.1286A>C, rs1801131)

Probe/Sample: A/A A/C C/C

Allele:

A: c.1286A	01	1	2	129
C: c.1286C	02	131		1

5 PAI-I 4G5G (SERPINE1, NM_000602.5:c.-820G[(4_5)], rs1799762)

Probe/Sample: 4/4 4/5 5/5

Allele:

4: 4G	01		86	
5: 5G	02		87	

6 FXIII V34L (F13A1, NM_000129.4:c.103G>T, rs5985)

Probe/Sample: G/G G/T T/T

Allele:

G: c.103G	03		31	
T: c.103T	04		31	

7 GPIIIa (ITGB3, NM_000212.3:c.176T>C, rs5918)

Probe/Sample: T/T T/C C/C

Allele:

T: c.176T	03		20	
C: c.176C	04		20	



<input type="text" value="n"/>	Resultatbox/Anzahl der Ergebnisse	<input type="checkbox"/>	richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr falsches Ergebnis
--------------------------------	-----------------------------------	--------------------------	--------------------	--------------------------	------------------------	--------------------------	-----------------------

8 beta-Fibrinogen g-455a (FGB, NM_005141.4:c.-463G>A, rs1800790)

Probe/Sample: G/G G/A A/A

Allele:

G: c.-463G	03		18	
A: c.-463A	04	18		

9 VKORC1 G-1639 (VKORC1, NM_024006.6:c.-1639G>A, rs9923231)

Probe/Sample: G/G G/A A/A

Allele:

G: c.-1639G	03	31		
A: c.-1639A	04		1	30

10 VKORC1 C1173T (VKORC1, NM_024006.6:c.174-136C>T rs9934438)

Probe/Sample: C/C C/T T/T

Allele:

C: c.174-136C	03	24		
T: c.174-136T	04		1	23

11 FXII c46t (F12, NM_000505.4:c.-4T>C rs1801020)

Probe/Sample: T/T T/C C/C

Allele:

T: c.-4T	03		14	
C: c.-4C	04	1		13

12 FV-H1299R (F5, NM_000130.5:c.3980A>G, rs1800595)

Probe/Sample: A/A A/G G/G

Allele:

A: c.3980A	03	1	27	
G: c.3980G	04	28		

13 AAT-PI*S (SERPINA1, NM_000295.5:c.863A>T, rs17580)

Probe/Sample: A/A A/T T/T

Allele:

A: c.863A	05		55	
T: c.863T	06	55		

14 AAT-PI*Z (SERPINA1, NM_000295.5:c.1096G>A, rs28929474)

Probe/Sample: G/G G/A A/A

Allele:

G: c.1096G	05	56	1	
A: c.1096A	06	57		



<input type="checkbox"/> n	Resultatbox/Anzahl der Ergebnisse	<input checked="" type="checkbox"/>	richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr falsches Ergebnis
----------------------------	-----------------------------------	-------------------------------------	--------------------	--------------------------	------------------------	--------------------------	-----------------------

15 AAT, Alpha-1-Antitrypsin-Genotypisierung

Probe/Sample:	M/M	M/S	M/Z	S/S	S/Z	Z/Z
Allele:						
Z: Z-Typ	05		71			1
M: M-Typ	06	71				
S: S-Typ						

16 ApoE2 (APOE, NM_000041.4:c.526C>T, rs7412)

Probe/Sample:	C/C	C/T	T/T
Allele:			
C: c.526C	05	58	2
T: c.526T	06	58	2

17 ApoE4 (APOE, NM_000041.4:c.388T>C, rs429358)

Probe/Sample:	T/T	T/C	C/C
Allele:			
T: c.388T	05	57	2
C: c.388C	06	57	2

18 ApoE, Apolipoprotein E – Genotypisierung

Probe/Sample:	2/2	2/3	2/4	3/3	3/4	4/4
Allele:						
2: c.526T	05			89		
3: wildtyp				89		
4: c.388C	06					

19 ApoB100 (APOB, NM_000384.3:c.10580G>A, rs5742904)

Probe/Sample:	G/G	G/A	A/A
Allele:			
G: c.10580G	05	48	
A: c.10580A	06	48	

20 ACE I/D(NM_000789.3:c.2306-117_2306-116insAF118569.1:g.14094_14382, rs1799752)

Probe/Sample:	I/I	I/D	D/D
Allele:			
I: Insertion	05	38	
D: Deletion	06		38

21 CETP B1/B2 (CETP, NM_000078.3:c.118+279G>A, rs708272)

Probe/Sample:	G/G	G/A	A/A
Allele:			
G: c.118+279G	05	5	
A: c.118+279A	06	1	4

22 AldoB 149 (ALDOB, NM_000035.4:c.448G>C, rs1800546)

Probe/Sample:	G/G	G/C	C/C
Allele:			
G: c.448G	07	51	
C: c.448C	08	51	

23 AldoB 174 (ALDOB, NM_000035.4:c.524C>A, rs76917243)

Probe/Sample:	C/C	C/A	A/A
Allele:			
C: c.524C	07	51	
A: c.524A	08	51	



<input type="text" value="n"/>	Resultatbox/Anzahl der Ergebnisse	<input type="checkbox"/>	richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr falsches Ergebnis
--------------------------------	-----------------------------------	--------------------------	--------------------	--------------------------	------------------------	--------------------------	-----------------------

24 AldoB 334 (ALDOB, NM_000035.4:c.1005C>G, rs78340951)

Probe/Sample:	C/C	C/G	G/G
Allele:			
C: c.1005C	07	51	
G: c.1005G	08	51	

25 HFE H63D (HFE, NM_000410.4:c.187C>G, rs1799945)

Probe/Sample:	C/C	C/G	G/G
Allele:			
C: c.187C	07	3	150
G: c.187G	08	1	151

26 HFE S65C (HFE, NM_000410.4:c.193A>T, rs1800730)

Probe/Sample:	A/A	A/T	T/T
Allele:			
A: c.193A	07	93	
T: c.193T	08	93	

27 HFE C282Y (HFE, NM_000410.4:c.845G>A, rs1800562)

Probe/Sample:	G/G	G/A	A/A
Allele:			
G: c.845G	07	152	1
A: c.845A	08	152	1

28 LCT c-13910t (LCT, NM_005915.6:c.1917+326C>T, rs4988235)

Probe/Sample:	C/C	C/T	T/T
Allele:			
C: c.1917+326C	07	109	
T: c.1917+326T	08	109	

29 NOD R702W (NOD2, NM_001370466.1:c.2023C>T, rs2066844)

Probe/Sample:	C/C	C/T	T/T
Allele:			
C: c.2023C	07	18	2
T: c.2023T	08	19	1

30 NOD G908R (NOD2, NM_001370466.1:c.2641G>C, rs2066845)

Probe/Sample:	G/G	G/C	C/C
Allele:			
G: c.2641G	07	19	
C: c.2641C	08	19	

31 NOD L1007finsC (NOD2, NM_001370466.1:c.2938dup, rs2066847)

Probe/Sample:	wt/wt	wt/du	du/du
Allele:			
wt:CCC:c.2936_2938=	07	18	
du:dup:c.2938dup	08		18



<input type="checkbox"/> n	Resultatbox/Anzahl der Ergebnisse	<input checked="" type="checkbox"/>	richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr falsches Ergebnis
----------------------------	-----------------------------------	-------------------------------------	--------------------	--------------------------	------------------------	--------------------------	-----------------------

32 ATP7B-C3207A (ATP7B, NM_000053.4:c.3207C>A, rs76151636)

Probe/Sample:		C/C	C/A	A/A
Allele:				
C: c.3207C	09	12		
A: c.3207A	10	12		

33 FSAP Marburg-I (HABP2, NM_004132.5:c.1601G>A, rs7080536)

Probe/Sample:		G/G	G/A	A/A
Allele:				
G: c.1601G	09	8		
A: c.1601A	10	8		

34 ITGA2 Gplalla C807T (ITGA2, NM_002203.4:c.759C>T, rs1126643)

Probe/Sample:		C/C	C/T	T/T
Allele:				
C: c.759C	09	8		
T: c.759T	10		8	

35 Col1A1 SP1 (Col1A1, NM_000088.4:c.104-441G>T, rs1800012)

Probe/Sample:		G/G	G/T	T/T
Allele:				
G:c.104-441G	09		11	
T:c.104-441T	10	11		

36 VDR Bsml (VDR, NM_000376.3:c.1024+283G>A, rs1544410)

Probe/Sample:		G/G	G/A	A/A
Allele:				
G: c.1024+283G	09		13	
A: c.1024+283A	10			13

37 VDR Apal (VDR, NM_000376.3:c.1025-49G>T, rs7975232)

Probe/Sample:		G/G	G/T	T/T
Allele:				
G: c.1025-49G	09		4	
T: c.1025-49T	10			4

38 VDR TaqI (VDR, NM_000376.3:c.1056T>C, rs731236)

Probe/Sample:		T/T	T/C	C/C
Allele:				
T: c.1056T	09		5	
C: c.1056C	10			5



<input type="text" value="n"/>	Resultatbox/Anzahl der Ergebnisse	<input type="checkbox"/>	richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr richtiges Ergebnis	<input type="checkbox"/>	Ihr falsches Ergebnis
--------------------------------	-----------------------------------	--------------------------	--------------------	--------------------------	------------------------	--------------------------	-----------------------

39 Faktor VII (R353Q) (F7, NM_019616.4:c.1172G>A, rs6046)

Probe/Sample: G/G G/A A/A

Allele:

G: c.1172G	11		11	
A: c.1172A	12	11		

40 AT3 Cambridge Typ I/II (SERPINC1, NM_000488.4:c.1246G>C>T, rs121909548)

Probe/Sample: G/G G/C C/C C/T T/T G/T

Allele:

G: c.1246G	11	12				
C: c.1246C	12					12
T: c.1246T						

41 CYP3A5*3 (CYP3A5, NM_000777.5:c.219-237A>G, rs776746)

Probe/Sample: 1/1 1/3 3/3

Allele:

1: c.219-237A	11			30
3: c.219-237G	12			30